Référence: 0017203 038

Evolution des données du répertoire de la chèvre du Massif Central 2003/2016

I. Evolution démographique

Tableau 1: Evolution des effectifs du répertoire depuis 2003

	2003	2005	2007	2008	2009	2010	2011	2012	2013	2014	2015	2016
Nombre d' élevages répertoriés	24	26	30	33	39	43	44	49	58	62	68	61
Nombre de chèvres inventoriées (<u>max 25% de qènes étrangers)</u>	321	426	474	520	595	591	543	713	855	930	964	1000
Nombre de chèvres inventoriées (<u>max 75% de gènes étrangers</u>)*	512	655	637	646	694	705	631	791	973	1115	1176	1240
Nombre de mâles répertoriés (<u>max 25% de gènes étrangers)</u>	47	54	52	55	58	63	59	77	88	106	111	117
Taille moyenne des troupeaux	21	25	23	21	18	16	14	15	15	15	14	17

^{*}pour information : les chèvres à plus de 25% de gènes étrangers ne sont pas comptées dans la population M-C.

Le nombre de femelles avec au maximum 25% de gènes étrangers augmente pour atteindre le chiffre de 1000 chèvres Massif-Central répertoriées tout juste. Le nombre de cheptels pris en compte diminue légèrement avec 61 élevages en 2016 mais le nombre d'animaux par cheptel augmente en conséquence. Le nombre de mâles reste stable à un peu plus de 110 boucs enregistrés.

Environ 25 éleveurs ont remis à jour leur inventaire en 2017 et une trentaine en 2016. Mais on perd encore cette année quelques troupeaux qui sont sortis des statistiques faute d'inventaire suffisamment récent (maximum 2014) alors qu'ils élèvent toujours des chèvres du Massif-Central.

II. Liste des éleveurs répertoriés et en activité en 2017

Prénom	Nom	Adresse	СР	Ville
	Ferme pédagogique	Le Bourg	43550	St Front
	Association TRI	zone artisanale Blanchotte	25440	Quingey
Gaetan	AUBRY	6 rue des Vergers	25330	Amancey
Roland	AYEL	Cottes	63840	Sauvessanges
Laetitia	BEAUREGARD	Omaly	63590	Cunlhat
Marine	BELLUMORI	15 rue de Tiollet	63230	Chapdes Beaufort
Pascal	BOUCHET*	Le Petit Cros	07320	St Agrève
Didier	BOUET	La ferme d'Orcelas	07310	St Clement
Isabelle	BOULON	La Grange	07160	Jaunac
Chloé	BOUVEUR*	Mandajors	30480	Saint Paul Lacoste
Magali	BROSSE *	La Chataignie	42320	Cellieu
Simon	CARRAZ ^s	La chèvrerie de l'Hermet Prévenchères	48250	La Bastide Puylaurent
Béatrice	CHABANNIER *	Volzac	15100	St Flour
Coline	CHARRAS*	La Panarde RN 106	48240	St Privat de Vallongue
Guy	CHAUTARD	Veillette*	63600	St Just
Jean-Michel	CHEVALEYRE	Péchaud	63600	Thiolières
Florian	CHOUVET	Craimps Haut	63270	Sallèdes
Valérie	CORREGE	Les Aydons*	48800	Pied de Borne
Evelyne	COUSINEAU	Les Pommeaux Blancs	42220	Laversanne
Camille	DALLE	Le Mas	43380	Blassac
Teddy	DAVID ^S	Jousy	63420	Ste Alyre es Montagne

han
1
ois
ac
ssac
1340
'Allier
Aillei
enne
anne
ins
agne
1alescours
LLAC

^{*} élevage non remis à jour depuis 2014 ou 2015 ⁵ : élevages indiqués car ils possèdent des chèvres mais ne sont plus comptés dans les statistiques faute d'inventaire à jour

Référence : 0017203 038

III. Etude de la variabilité génétique de la population à partir des généalogies

Quelques règles simples de gestion permettent de limiter sensiblement l'augmentation de consanguinité pour une race à petits effectifs comme la Massif Central :

- 1. Prévoir pour la saillie un bouc pour quarante chèvres au maximum.
- 2. Les élevages qui ne possèdent qu'un bouc le renouvellent tous les deux ans (= deux années de saillie par bouc). Les élevages qui possèdent au moins deux boucs les renouvellent au minimum tous les quatre ans et font reproduire en lot.

Cette règle permet d'éviter qu'un bouc saillisse ses propres filles. Exemple: l'éleveur à deux boucs, LOLO et LULU. Ces boucs saillissent chacun la moitié des chèvres. L'année d'après, les filles de LOLO seront saillies par LULU et inversement.

3. Chaque élevage achète ses boucs de renouvellement à l'extérieur. Un éleveur ne garde pas pour la saillie de boucs nés chez lui.

Tableau 2: Degré de connaissance des généalogies pour les animaux en activité au 01/10/16

		Paternité	Maternité	Aucune ascendance		
		inconnue	inconnue	connue		
Mâles	Nombre	4*	1	3		
	Pourcentage	3%	1%	3%		
Femelles	Nombre	23	80	130		
	Pourcentage	2%	8%	13%		

^{* : 3} boucs avec plusieurs pères possibles ne sont pas comptés ici

La connaissance des généalogies des mâles reste bonne puisque seulement 3 d'entre eux sont encore d'origine inconnue. Cela montre que le travail rigoureux de tenu des inventaires se poursuit.

Pour les femelles, la situation est identique à l'année dernière puisqu'on compte **toujours 13% de femelles d'ascendance inconnue** (13.5% en 2015) et 8% de maternité ou 2% de paternité inconnu.

La <u>mise à jour régulière des inventaires avec des données sur l'ascendance des animaux</u> aussi précises que possible reste primordiale. Moins les inventaires sont complétés régulièrement, plus le risque de perte de généalogies est important. Une bonne connaissance des filiations est indispensable au bon suivi génétique de la population.

Quand un éleveur <u>achète un bouc</u> à un élevage répertorié il est impératif qu'il demande <u>ses origines</u>. Pour être sûr de ne pas les perdre le mieux est <u>de les faire noter sur la facture</u>.

Afin d'éviter des pères ou mères indiqués mais qui ne sont pas retrouvées dans les inventaires précédents, il est rappelé que quand un inventaire n'a pas été mis à jour depuis quelques années, il est important de donner l'origine des boucs mais aussi des chèvres (quand cela est possible) qui apparaissent en tant que parents même s'ils ont disparu de l'élevage depuis afin que le lien puisse être fait sur leurs descendants.

IV. Etude de la généalogie des animaux inventoriés

Tableau 4: Variabilité des généalogies connues pour les animaux en activité au 01/10/16 – ascendance paternelle

	Nombre de pères Nombre maximum de descendar		Nombre moyen de
	différents	un père	descendants par père
Femelles	147	Moutou avec 30, Paco avec 27 et Steed	F. C
	(134 en 2015)	John avec 24	5,6 (5.0 on 2015)
		(Moutou et Paco avec 31 en 2015)	(5,9 en 2015)
Mâles	53	Illico avec 9, Iggdrasyl/Iggy avec 8,	
	(57 en 2015)	Hidalgo 2 - Bricou – Helium – Igor de la	2,0
		Bastide – Horacio avec 5	(1,8 en 2015)
		(Iggdrasyl/Iggy 8 en 2014 et 2015)	

Référence : 0017203 038

Ces critères ont peu évolué par rapport à 2015 pour les femelles et les mâles, en particulier le nombre moyen de descendants par père change peu.

Il est important de rappeler que **le nombre de boucs reproducteurs laissés par un même mâle doit rester limiter** afin de ne pas trop déséquilibrer les lignées avec certaines qui deviennent surreprésentées alors que d'autres peuvent disparaitre.

Tableau 5 : Variabilité des généalogies connues pour les animaux en activité et dont le père est toujours en vie

	Nombre de pères différents	Nombre maximum de descendants pour un père	Nombre moyen de descendants par père
Femelles	63 (52 en 2015)	Moutou : 30, Jiggy de Vanosc : 22 et Iggdrasyl/Iggy avec 19 (Moutou : 30 en 2015)	6,3 (6,1 en 2015)
Mâles	27 (25 en 2015)	Illico avec 9, Iggdrasyl/Iggy avec 8, Hidalgo 2-Helium-Horacio avec 5 (laadrasyl/laav: 8 en 2015)	2,3 (2,0 en 2015)

Les résultats lorsque l'on se concentre sur les pères et leurs produits vivants sont assez semblables à ce que l'on retrouve dans l'analyse jusqu'à un instant t. En particulier, le nombre de descendants laissés en moyenne par père est similaire (même si légèrement supérieur) que ce soit pour les femelles ou les mâles.

Il faudrait néanmoins <u>réformer les boucs les plus utiliser</u> pour la reproduction et qui ont déjà une descendance **nombreuse**, sans cela, le risque de déséquilibrer d'avantage la population augmente.

Tableau 6 : Variabilité des généalogies connues pour les animaux en activité au 01/10/16 – ascendance grand-paternelle

	Nombre de grands-pères paternels différents	Nombre maximum de descendants pour un grand-père paternel
Femelles	80	Carillon avec 40, Grizou: 35, Ebene: 34, Akion et Elroy: 31,
	(72 en 2015)	Romeo : 30
		(Carillon avec 45, Cricoux : 41, Grizou – Romeo : 31 en 2015)
Mâles	35	Dartagnan avec 12, Heliot : 9, Ebene : 8, Grizou - Cornelius -
	(37 en 2015)	Elroy avec 6
		(Dartagnan avec 10 en 2015)

Là aussi peu de changements par rapport à 2015 pour le nombre de descendants laissé par chaque grand-père paternel : le nombre de grands-pères différents pour les femelles s'accroit de façon logique vu l'augmentation du nombre de femelles elles-mêmes.

L'analyse globale des lignées ne montre pas de signes inquiétants de réduction de la variabilité génétique.

Il faut néanmoins rester vigilant, en particulier sur le nombre de fils laissé par chaque bouc et la durée de leur carrière qui doit être arrêtée quand ils ont déjà laissés beaucoup de descendants.

Référence: 0017203 038

V. Evolution du croisement d'absorption

Cette analyse est réalisée à partir de l'ensemble des animaux figurant dans le répertoire, y compris les animaux supports de croisement d'absorption, et hors animaux dont le pourcentage de gènes étrangers est inconnu.

Le nombre de femelles avec un pourcentage de gènes indiqués progressent encore cette année puisqu'on arrive à un total de 1035 femelles.

Comme en 2015, le pourcentage de femelles avec au maximum ¼ de gènes étrangers stagne à 77% (78% en 2014), mais le nombre de chèvres qu'il représente (près de 800) continue à augmenter.

L'attribution initiale du % pour les animaux d'origine inconnue est de plus en plus stricte et contribue à augmenter légèrement le nombre de femelles avec un pourcentage de gènes étrangers assez élevé, celles-ci ne sont pas comptées dans la population Massif-Central et en cours de croisement d'absorption.

Tableau 7: Evolution du pourcentage de gènes étrangers des femelles

	2003	2005	2007	2008	2009	2010	2011	2012	2013	2014	2015	2016
Nombre de femelles avec % de gènes connus	489	589	609	599	550	618	502	595	738	877	949	1035
Pure	25%	26%	28%	33%	32%	26%	28%	31%	31%	29%	27%	28%
]6,25 % à 12,5 %] (entre 1/16 ^{ème} et 1/8 ^{ème} de gènes étrangers)	12%	13%	15%	15%	17%	20%	23%	26%	26%	26%	27%	26%
]12,5 % à 25 %] (entre 1/8 ^{ème} et 1/4 ^e de gènes étrangers)	24%	23%	29%	30%	33%	34%	30%	30%	27%	23%	23%	23%
]25 % à 50 %] (entre 1/4 et1/2 de gènes étrangers)	31%	31%	24%	17%	15%	16%	16%	12%	11%	15%	14%	15%
]50 % à 75 %] (entre 1/2 et3/4 de gènes étrangers)	8%	7%	4%	4%	4%	3%	2%	1%	5%	5%	8%	9%